



Modelos matemáticos y experimentales de farmacocinética y farmacodinamia en la optimización del uso de los antimicrobianos.

Jueves, 4 de mayo de 2023 at 4:00 p.m.

Resumen:

En los últimos años, el problema la aparición y diseminación a nivel de mundial de bacterias altamente resistentes a los antimicrobianos se ha convertido en un problema de salud mundial. La escasez de nuevas moléculas con actividad y la rápida aparición de variantes resistentes ha conducido al diseño y desarrollo de estrategias para la optimización de la dosificación.

En este sentido, se han extendido herramientas como son la utilización de modelos experimentales de infección dinámica como el *hollow-fiber infection model*, junto con la elaboración de modelos matemáticos capaces de entender la relación entre el comportamiento bacteriano y su relación con la actividad antimicrobiana. Estos modelos, conjuntamente, permiten no solo optimizar las dosificaciones de para maximizar la eficacia de antimicrobianos en monoterapia o en combinación, sino también el establecimiento de puntos de corte de sensibilidad bajo un criterio farmacocinético.

Ponente:

Dr. Fernando Docobo, Universidad de Sevilla.

Afiliación y Resumen de CV:

Departamento de Microbiología. Facultad de Medicina. Universidad de Sevilla.

Instituto de Biomedicina de Sevilla (IBiS).

Centro de Investigación Biomédica en Red de Enfermedades Infecciosas (CIBERINFECT)

Profesor Contratado Doctor de Microbiología de la Universidad de Sevilla. Investigador principal en 8 proyectos de investigación de financiación pública competitiva (FP7, JPIAMR, AES, autonómicos).

Estancias en Universidad de Liverpool, Reino Unido (2014, 2019); Hospital de Bicêtre, París, Francia (2012); Centro Nacional de Biotecnología, Madrid, España (2012). Miembro del Comité Español del Antibiograma (COESANT, SEIMC, 2019-Continúa), Miembro REIPI (RETICS-ISCIII) y CIBERINFECT (CIBER-ISCIII). Experto en farmacología de antimicrobianos, modelos experimentales de infecciones y bases moleculares de la resistencia antimicrobiana. Autor de 57 manuscritos. Total de citas 2037, Índice-h (Google Scholar) 29.

Organizadores:

Grupo de Genética de Micobacterias. Instituto de Investigación Sanitaria Aragón (IIS Aragón). Facultad de Medicina, Universidad de Zaragoza.

Inscripción ONLINE

https://us02web.zoom.us/webinar/register/WN_f6eA7-UsQlqhPeyT8oNqfQ

Inscripción PRESENCIAL

<https://forms.gle/KQD1RrYKdNRjf4dNA>

 Place: Salón de Actos Lorente de Nó. Edificio CIBA, Zaragoza.

 Date: 4 de mayo de 2023